

Krankenkasse bzw. Kostenträger		
Name, Vorname des Versicherten		
		geb. am
Kassen-Nr.	Versicherten-Nr.	Status
Betriebsstätten-Nr.	Arzt-Nr.	Datum

Humangenetik / DNA-Analytik

Geschlecht	Diagnose oder Verdacht / Indikation	ICD10 Code
<input type="checkbox"/> W <input type="checkbox"/> M		

Material	Abnahmedatum
<input type="checkbox"/> EDTA-Blut 2 ml (Molekulargenetik) <input type="checkbox"/> Heparin-Blut 2 ml (Zytogenetik) <input type="checkbox"/> DNA 1-5 µg <input type="checkbox"/> Mundschleimhautabstrich (nur nach Absprache)	<input type="checkbox"/> T <input type="checkbox"/> T <input type="checkbox"/> M <input type="checkbox"/> M <input type="checkbox"/> J <input type="checkbox"/> J
	Rechnung <input type="checkbox"/> GKV <input type="checkbox"/> Privat <input type="checkbox"/> IGeL

Stempel und Unterschrift des Überweisers

Klinische Angaben	Familienanamnese	Ethnische Herkunft
Patient ist erkrankt <input type="checkbox"/> ja <input type="checkbox"/> nein Klinische Symptomatik, Vorfunde: _____	Elterliche Blutsverwandtschaft <input type="checkbox"/> ja <input type="checkbox"/> nein Familienanamnese <input type="checkbox"/> positiv <input type="checkbox"/> negativ <input type="checkbox"/> unbekannt Bei positiver Familienanamnese: Wer ist betroffen: Mutation in Familie <input type="checkbox"/> unbekannt <input type="checkbox"/> bekannt: _____	_____

Allgemeine Hinweise

- Gesetzlich Versicherte:** Die Anforderung von humangenetischen Untersuchungen ist nur in Verbindung mit einem ausgefüllten **Überweisungsschein Muster 10** (Indikation, gewünschte Untersuchung) gültig. Als kassenärztliche Leistungen werden diese Untersuchungen nach EBM/Kapitel 11 abgerechnet und belasten nicht das Budget des einsendenden Arztes (Ausnahmen sind mit * gekennzeichnet, siehe Seite 2-3).
- Privatpatienten / Selbstzahler:** Bitte zusätzlich Einverständniserklärung nach Datenschutzgesetz ausfüllen. Abrechnung erfolgt nach GOÄ/Kapitel M und N. Bei einzelnen Untersuchungen kann eine Kostenübernahmeerklärung durch die private Krankenversicherung erforderlich sein.

Einverständniserklärung nach Datenschutzgesetz (§§ 4 ff BDSG) – Pflicht für Privatpatienten / Selbstzahler!

Ich bin damit einverstanden, dass meine persönlichen Daten von der Firma Lipke & Lipke elektronisch gespeichert und zum Zwecke der Erstellung einer Honorarrechnung sowie der Einziehung der Forderung verarbeitet werden.

.....

Unterschrift (Patient oder gesetzlicher Vertreter)

Einwilligungserklärung für genetische Analysen gemäß Gendiagnostikgesetz – Pflicht für alle Patienten!

Ich gebe meine Einwilligung nach erfolgter Aufklärung für die Durchführung einer genetischen Untersuchung und die dafür erforderliche Blut-/ Gewebeentnahme für die in Frage stehende Erkrankung / Diagnose / Indikation:

.....

bei mir bei meinem Kind bei der von mir betreuten Person

Über die geplante genetische Analyse bin ich gemäß Gendiagnostikgesetz ausführlich aufgeklärt worden. Die Verwendung und Aufbewahrung von Probenmaterial und Untersuchungsergebnissen wurden mir umfassend erläutert. Mit einer Aufbewahrung der Ergebnisse über einen längeren Zeitraum als die gesetzlich vorgeschriebenen 10 Jahre bin ich einverstanden. Die von mir gemachten Angaben und alle Untersuchungsergebnisse werden nur mit meiner schriftlichen Einwilligung an Familienangehörige oder andere Ärzte weitergegeben.
 Mir ist bekannt, dass die Untersuchung freiwillig ist und ich meine Einwilligung zu der genetischen Untersuchung, der Mitteilung des Untersuchungsergebnisses sowie zur Aufbewahrung der Probe jederzeit und ohne Angabe von Gründen zurückziehen kann und nur die bis dahin erbrachte Leistung abgerechnet wird.

Ich wünsche die Mitteilung der Untersuchungsergebnisse an mich durch den verantwortlichen Arzt. Der möglichen Verwendung von anonymisiertem Probenmaterial für Maßnahmen zur Qualitätssicherung und für wissenschaftliche Zwecke stimme ich zu und mit der evtl. Weiterleitung des Untersuchungsauftrages an ein medizinisches Partnerlabor bin ich einverstanden. Selten können sich im Zusammenhang mit genetischen Analysen unerwartet zusätzliche Informationen ergeben. Ich möchte über solche Zufallsbefunde informiert werden, wenn sich daraus für mich und meine Familie praktische Konsequenzen ergeben. **(Nichtzutreffendes bitte streichen)**

.....

Ort, Datum **Ort, Datum**

.....

Unterschrift (Patient oder gesetzlicher Vertreter) **Unterschrift (Verantwortlicher Arzt)**

Erbliche Tumorerkrankungen

	Gen	OMIM
□ Familiäre Adenomatöse Polyposis coli (FAP) ST	APC	175100
□ Li-Fraumeni-Syndrom	TP53	151623
□ Magenkarzinom, diffus, familiär	CDH1	137215
□ Mamma-/Ovarialkarzinom, familiär ST		604370
□ BRCA1	BRCA1	604370
□ BRCA2	BRCA2	604370
□ CHEK2 (MLPA)	CHEK2	604370
□ RAD51C	RAD51C	604370
□ Medulläres Schilddrüsenkarzinom, familiär	RET	155240
□ Multiple Endokrine Neoplasie Typ 2 (MEN2)		
□ Typ 2A (MEN2A)	RET	171400
□ Typ 2B (MEN2B)	RET	162300
□ MUTYH-assoziierte Polyposis	MUTYH	608456
□ Phäochromozytom-Paragangliom-Syndrom, hereditär ST		
□ PGL1	SDHD	168000
□ PGL3	SDHC	605373
□ PGL4	SDHB	115310
□ Von Hippel-Lindau-Syndrom (VHL)	VHL	193300

Fiebersyndrome

□ Familiäres Mittelmeerfieber (FMF) ST	MEFV	249100
□ Hyper-IgD-Syndrom (HIDS)	MVK	260920
□ TNFR1-assoziiertes period. Syndrom (TRAPS)	TNFRSF1	142680

Hämostaseologie / Hämoglobinopathien

□ Faktor II (Prothrombin; G20210A)	F2	176930
□ Faktor V Leiden (R506Q)	F5	188055
□ Faktor XIII (V34L)	F13A1	134570
□ MTHFR (C677T, A1298C)	MTHFR	236250
□ PAI-1 (4G/5G)	SERPINE1	173360
□ Alpha-Thalassämie (α-Globin-Region)	HBA1/HBA	141800
□ Beta-Thalassämie (β-Globin-Region) ST	HBB	141900
□ andere Hämoglobinopathien		

Immunogenetik

□ Dectin-1 (Y238X)	CLEC7A	606264
HLA-Typisierung		
□ HLA-A	□ low □ high	HLA-A 142800
□ HLA-B	□ low □ high	HLA-B 142830
□ HLA-C	□ low □ high	HLA-C 142840
□ HLA-DRB1	□ low □ high	HLA-DRB1 142857
□ HLA-DQB1	□ low □ high	HLA-DQB1 604305
□ HLA-DQA1	□ low □ high	HLA-DQA1 146880
HLA-Krankheitsassoziationen		
□ Abacavir-Hypersensitivität (B*57:01)	HLA-B	142830
□ AGS (late-onset Form B14/Salzverlustform B47)	HLA-B	142830
□ Diabetes mell. Typ I (DQ2/3/6-Subtypen)	HLA-DQB1	222100
□ Morbus Bechterew (B27)	HLA-B	106300
□ Morbus Bechterew (B27-Subtypisierung)	HLA-B	106300
□ Morbus Behcet (B51, B52, B44, B27)	HLA-B	109650
□ Multiple Sklerose (DRB1*15:01)	HLA-DRB1	126200
□ Narkolepsie (DQB1*06:02/DRB1*15)	HLA-DQB1/DRB1	161400
□ Psoriasis vulgaris (C6, C7)	HLA-C	177900
□ Rheumatoidarthritits (DR1/4 Shared Epitope)	HLA-DRB1	180300
□ Zöliakie (DQ2, DQ7, DQ8)	HLA-DQA1/DQB1	212750
HPA-Typisierung		
□ HPA 1/5 (L33P, E505K)	GPIIIa/ GPIa	607759/ 192974
□ HPA2 (T145M)	GPIb	138720
□ HPA3 (I843S)	GPIIb	607759
□ HPA4 (R143Q)	GPIIIa	607759
□ HPA6 (R489Q)	GPIIIa	607759
□ HPA15 (S703Y)	CD109	608859
□ MBL-Defizienz (R52C, G54D, G57E, -550G/C, -221G/C)	MBL	154545
Zytokinpolymorphismen*		
□ INF-γ (874T/A)*	IFNG	147570
□ IL-4 (-590C/T)*	IL4	147780
□ IL-6 (-174G/C)*	IL6	147620
□ IL-10 (-592C/A)*	IL10	124092
□ TNF-α (-308G/A)*	TNF	191160
□ IL1-α (-889C/T)*	IL1A	147760
□ IL1-β (3953C/T)*	IL1B	147720
□ IL1RA (2010T/C)*	IL1RA	147679

Infektionskrankheiten

	Gen	OMIM
□ CCR5 (Delta 32bp Mutation) HIV-Disposition*	CCR5	609423
□ IL28B (rs12979860) HCV-Prognose*	IL28B	609532

Neurogenetik

□ Apolipoprotein E (Alzheimer Risiko; AD2)	APOE	107741
□ Amyotrophe Lateralsklerose (ALS1)	SOD1	105400
□ Fragiles X-Syndrom ^C	FMR1	300624
□ Friedreich-Ataxie (FRDA) ^C	FXN	229300
□ Hirschsprung-Krankheit 1	RET	142623

Regulation der HHN (Stress)-Achse

□ BDNF (Val66Met)*	BDNF	113505
□ COMT (Val158Met)*	COMT	116790
□ MAOA (30bp-VNTR)*	MAOA	309850

Stoffwechselerkrankungen / Endokrinologie

□ Adrenogenitales Syndrom	CYP21A2	201910
□ Alpha 1-Antitrypsin-Mangel (PiS, PiZ, PiM)	SERPINA1	613490
□ Cystische Fibrose / Mukoviszidose ST	CFTR	219700
□ Fructoseintoleranz, hereditär	ALDOB	229600
□ Glucose-6-Phosphat-Dehydrogenase-Mangel	G6PD	134700
□ Hämochromatose (C282Y, H63D)	HFE	235200
□ Hämochromatose (Sequenzierung Exon 1-6)	HFE	235200
□ Histaminintoleranz		
□ DAO (rs2052129, rs2268999, rs10156191, rs1049742)	DAO	104610
□ HNMT (C314T)	HNMT	605238
□ Laktoseintoleranz (C-13910T)	LCT	223100
□ Morbus Fabry (α-Galactosidase A-Mangel)	GLA	301500
□ Morbus Meulengracht (Gilbert-Syndrom)	UGT1A1	143500

Sonstige molekulare Diagnostik & Tumormarker

□ Azoospermiefaktor (AZF-Deletion)	Yq11-Region	415000
□ Morbus Crohn		
□ NOD2 (R702W, G908R, 3020insC)	NOD2	266600
□ ATG16L1 (T300A)	ATG16L1	610767
□ Osteoporose *		
□ Collagen 1A1-Gen (G2046T)*	COL1A1	166710
□ Vitamin D3-Rezeptor (B/b)*	VDR	166710
1024+283 G>A		
□ Phytosterin-Uptake		
□ ABCG5/8 (rs4245791)	ABCG8	-----
□ ABCG5/8 (rs41360247)	ABCG8	-----
□ ABO (rs657152)	ABO	-----
□ Polycythaemia vera ^C	JAK2	147796
□ Septin 9-Test (Darmkrebs-Früherkennung)* [§]	SEPT9	114500
□ Thrombozythämie, essentielle ^C	JAK2	147796
□ Tryptophan-Hydroxylase 2 (R441H)*	TPH2	607478
□ Vitamin D-Mangel (Vit D-bindendes Protein)	VDBP	139200

Pharmakogenetik

Tumortheraeutika		
□ 5-FU-Toxizität (DPD, Exon 14-skipping)*	DPYD	274270
□ Irinotecan-Toxizität (UGT1A1 TA-Expansion)*	UGT1A1	191740
□ Methotrexat-Unverträglichkeit (MTHFR)*	MTHFR	607093
□ Paclitaxel-Verträglichkeit (CYP2C8)*	CYP2C8	601129
□ Tamoxifen-Wirksamkeit (CYP2D6)*	CYP2D6	124030
□ Thiopurin-Toxizität (TPMT)*	TPMT	187680
Antikoagulantien		
□ Clopidogrel-Verträglichkeit (CYP2C19)*	CYP2C19	124020
□ Cumarin-Sensitivität (VKORC1, CYP2C9)*	VKORC1	122700
	CYP2C9	601130
Statin-Toxizität		
□ Simvastatin-Toxizität (SLCO1B1)*	SLCO1B1	604843
Hepatitis C / HIV		
□ Abacavir-Hypersensitivität (vor HIV-Therapie)	HLA-B*57:01	142830
□ IL28B (rs12979860) HCV-Therapieansprechen*	IL28B	609532

Pharmakogenetik (Fortsetzung)

Phase 1-Metabolismus	Gen	OMIM
□ Cytochrom P450-Genotypisierung		
□ CYP1A1*	CYP1A1	108330
□ CYP1A2*	CYP1A2	124060
□ CYP2A6*	CYP2A6	122720
□ CYP2C8*	CYP2C8	601129
□ CYP2C9*	CYP2C9	601130
□ CYP2C19*	CYP2C19	124020
□ CYP2D6*	CYP2D6	124030
□ CYP3A5*	CYP3A5	605325
□ PON1 (L55M, Q192R)*	PON1	168820

Phase 2-Metabolismus	Gen	OMIM
□ Glutathion-S-Transferase-Genotypisierung*		
□ GST M1 (Deletion)*	GSTM1	138350
□ GST T1 (Deletion)*	GSTT1	600436
□ GST P1 (I105V)*	GSTP1	134660
□ MDR1 (T3435C)*	ABCB1	171050
□ mEH (T337C, A416G)*	EPHX1	132810
□ NAT2-Genotypisierung*	NAT2	243400
□ SOD2 (A16V)*	SOD2	147460
SSRI Wirksamkeit		
□ Dopamin-Transporter 1 (40 bp-VNTR)*	SLC6A3	126455
□ Serotonin-Rezeptor 2A (rs7997012 + T102C)*	HTR2A	608516
□ Serotonin-Transporter (5-HTTLPR)*	SLC6A4	182138

Molekulargenetik - Untersuchungen alphabetisch

	Gen	OMIM
□ Abacavir-Hypersensitivität (vor HIV-Therapie)	HLA-B*5701	142830
□ Adrenogenitales Syndrom	CYP21A2	201910
□ Alpha 1-Antitrypsin-Mangel (PiS, PiZ, PiM)	SERPINA1	613490
□ Alpha-Thalassämie (α-Globin-Region) [□]	HBA1/HBA2	141800
□ Alzheimer-Krankheit, familiär (siehe Neurogenetik)		104300
□ Amyotrophe Lateralsklerose (ALS1)	SOD1	105400
□ ATG16L1 (T300A)	ATG16L1	610767
□ Azoospermiefaktor (AZF-Genanalyse)	AZF1	415000
□ BDNF Genotypisierung (Val66Met)*	BDNF	113505
□ Beta-Thalassämie (β-Globin-Region) [□]	HBB	141900
□ Clopidogrel-Verträglichkeit (CYP2C19)*	CYP2C19	124020
□ COMT (Val158Met)*	COMT	116790
□ Cumarin-Sensitivität (VKORC1, CYP2C9)*	VKORC1 CYP2C9	122700 601130
□ Cystische Fibrose / Mukoviszidose ^{ST □}	CFTR	219700
□ Cytochrom P450-Genotypisierung (siehe Pharmakogenetik)*		
□ DAO	DAO	104610
□ Dectin-1 (Y238X)*	CLEC7A	606264
□ Diabetes mell. Typ I (DQ2/3/6-Subtypen)	HLA-DQB1	222100
□ Dopamin-Transporter 1 (40 bp-VNTR)*	SLC6A3	126455
□ Faktor II (Prothrombin; G20210A)	F2	176930
□ Faktor V Leiden (R506Q)	F5	188055
□ Faktor XIII (V34L)	F13A1	134570
□ Familiäre Adenomatöse Polyposis coli (FAP) ^{ST □}	APC	175100
□ Fiebersyndrome (FMF, HIDS, TRAPS) [□]		
□ Fragiles X-Syndrom ^C	FMR1	300624
□ Friedreich-Ataxie (FRDA) ^C	FXN	229300
□ Fructoseintoleranz, hereditär	ALDOB	229600
□ 5-FU-Toxizität (DPD, Exon 14-skipping)* [□]	DPYD	274270
□ Glucose-6-Phosphat-Dehydrogenase-Mangel	G6PD	134700
□ Glutathion-S-Transferase-Genotypisierung (siehe Pharmakogenetik)*		
□ Hämochromatose (C282Y, H63D) [□]	HFE	235200
□ Hämochromatose (Sequenzierung Exon 1-6) [□]	HFE	235200
□ Hirschsprung-Krankheit 1	RET	142623
□ HIV Disposition (siehe Infektionskrankheiten)*		
□ HLA-Typisierung (siehe Immunogenetik)		
□ HNMT	HNMT	605238
□ HPA-Typisierung (siehe Immunogenetik)		
□ IL28B (rs12979860) HCV Prognose & Therapie*	IL28B	609532
□ Irinotecan-Toxizität (UGT1A1 TA-Expansion)* [□]	UGT1A1	191740
□ Kolonkarzinom, nicht-polypös, familiär (HNPCC) ^{ST □}	MLH1/MSH2/MSH6	120435
□ Laktoseintoleranz (C-13910T)	LCT	223100
□ Li-Fraumeni-Syndrom	TP53	151623
□ Magenkarzinom, diffus, familiär	CDH1	137215
□ Mamma-/Ovarialkarzinom, familiär (siehe Erbl. Tumorerkrankungen) ^{ST □}		604370
□ MAOA Genotypisierung (30bp-VNTR)*	MAOA	309850

	Gen	OMIM
□ MBL-Defizienz (R52C, G54D, G57E, -550G/C, -221G/C)	MBL	154545
□ MDR1 (T3435C)*	MDR1	171050
□ Medulläres Schilddrüsenkarzinom, familiär	RET	155240
□ mEH (T337C, A416G)*	EPHX1	132810
□ Methotrexat-Unverträglichkeit (MTHFR)* [□]	MTHFR	607093
□ Morbus Bechterew (HLA-B27)	HLA-B	106300
□ Morbus Bechterew (HLA-B27-Subtypisierung)	HLA-B	106300
□ Morbus Behcet (HLA-B51, B52, B44, B27)	HLA-B	109650
□ Morbus Crohn (siehe Sonstige molekulare Diagnostik)		
□ Morbus Fabry (α-Galactosidase A-Mangel) [□]	GLA	301500
□ Morbus Meulengracht (Gilbert-Syndrom)	UGT1A1	143500
□ MTHFR (C677T, A1298C)	MTHFR	236250
□ Mukokutane Candidiasis (CARD9)	CARD9	212050
□ Mukoviszidose / Cystische Fibrose	CFTR	219700
□ Multiple Endokrine Neoplasie Typ 2 (siehe Erbliche Tumorerkrankungen)		
□ MUTYH-assozierte Polyposis	MUTYH	608456
□ Multiple Sklerose (DRB1*15:01)	HLA-DRB1	126200
□ Narkolepsie (DQB1*06:02/DRB1*15)	HLA-DQB1/DRB1	161400
□ NAT2-Genotypisierung*	NAT2	243400
□ NOD2 (R702W, G908R, 3020insC)	NOD2	266600
□ Osteoporose (siehe Sonstige molekulare Diagnostik)*		
□ Paclitaxel-Verträglichkeit (CYP2C8) [□]	CYP2C8	601129
□ Phäochromozytom-Paragangliom-Syndrom, hereditär ST (siehe Erbliche Tumorerkrankungen)		
□ Phytosterin-Uptake (siehe sonstige Diagnostik)*		
□ PAI-1 (4G/5G)	SERPINE1	173360
□ Polycythaemia vera ^C	JAK2	147796
□ PON1 (L55M, Q192R)*	PON1	168820
□ Psoriasis vulgaris (HLA-C6, C7)	HLA-C	177900
□ Rheumatooidarthritis (DR1/4 Shared Epitope)	HLA-DRB1	180300
□ Septin 9-Test (Darmkrebs-Früherkennung)* ^{§ □}	SEPT9	114500
□ Serotonin-Rezeptor 2A (rs7997012 + T102C)*	HTR2A	608516
□ Serotonin-Transporter (5-HTTLPR)*	SLC6A4	182138
□ Simvastatin-Toxizität (SLCO1B1)*	SLCO1B1	604843
□ SOD2 (A16V)*	SOD2	147460
□ Tamoxifen-Wirksamkeit (CYP2D6)* [□]	CYP2D6	124030
□ Thiopurin-Toxizität (TPMT)* [□]	TPMT	187680
□ Thrombozythämie, essentielle ^C	JAK2	147796
□ Tryptophan-Hydroxylase 2 (R441H)*	TPH2	607478
□ UGT1A1	UGT1A1	143500
□ Vitamin D-Mangel (Vit D-bindendes Protein)	VDBP	139200
□ Von Hippel-Lindau-Syndrom (VHL)	VHL	193300
□ Zöliakie (DQ2, DQ7, DQ8)	HLA-DQA1/DQB1	212750

^C Durchführung in Kooperation mit Partnerlabor

ST Stufendiagnostik verfügbar

* IGeL- oder Privatleistung

[□] Patienten-Flyer erhältlich

[§] Keine Geneinwilligung nötig

□ Abtlg. Humangenetik

□ Abtlg. Immunogenetik

Zytogenetik und Molekularzytogenetik ^C

Chromosomenanalyse (pränatal) ^C [□]

Bitte gesonderten Anforderungsschein benutzen

Chromosomenanalyse (postnatal) ^C

Mikrodeletionssyndrome (FISH) ^C

	Region/Gen	OMIM
<input type="checkbox"/> Angelman-Syndrom	15q11q13/UBE3A	105830
<input type="checkbox"/> Chromosom 1p36 Deletionssyndrom	1p36/SKI	607872
<input type="checkbox"/> Cri-du-Chat-Syndrom	5p15.2/CTNND	123450
<input type="checkbox"/> DiGeorge-Syndrom	22q11.2	188400
<input type="checkbox"/> DiGeorge II-Syndrom	10p13p14	601362
<input type="checkbox"/> Ichthyose X-gebunden	Xp22.3/STS	308100

	Region/Gen	OMIM
<input type="checkbox"/> Kallmann-Syndrom	Xp22.3/KAL1	308700
<input type="checkbox"/> Miller-Dieker-Syndrom	17p13.3/LIS	247200
<input type="checkbox"/> Neurofibromatose Typ 1	17q11.24/NF1	162200
<input type="checkbox"/> Prader-Willi-Syndrom	15q11q13/SNRPN	176270
<input type="checkbox"/> Rubinstein-Taybi-Syndrom	16p13.1/CREBBP	180849
<input type="checkbox"/> Smith-Magenis-Syndrom	17p11.2/RAI	182290
<input type="checkbox"/> Williams-Beuren-Syndrom	7q11.23/ELN	194050
<input type="checkbox"/> Wolf-Hirschhorn-Syndrom	4p16.3/WHSC1	194190
<input type="checkbox"/> Sonstige (auf Anfrage)		
<input type="checkbox"/> Array-CGH ^C		

^C Durchführung in Kooperation mit Partnerlabor

ST Stufendiagnostik verfügbar

* IGeL- oder Privatleistung

[□] Patienten-Flyer erhältlich

[§] Keine Geneinwilligung nötig

Abtlg. Humangenetik

Abtlg. Immungenetik

Informationen • Leistungsspektrum • Ansprechpartner

Das IMD möchte Patienten und Ärzte bei Fragen zu genetischen Erkrankungen und den Möglichkeiten einer weiterführenden Diagnostik unterstützen. Wir bieten hierfür ein breites Spektrum an Serviceleistungen an:

- **Genetische Beratung** (Termine nach vorheriger Absprache)
- **Molekulargenetik** (Next Generation Sequencing, Sanger-Sequenzierung, MLPA, PCR-basierte Nachweismethoden)
- **Molekulare Tumormarker** (Nachweis tumorassoziierter Nukleinsäuren)
- **Pharmakogenetik**
- **Zytogenetik** (mit Partnerlabor)

Ausführliche Informationen finden Sie auf unserer Homepage: www.imd-berlin.de

Ansprechpartner Abteilung Humangenetik:

Dr. phil. nat. Nikola Holtkamp

Tel. 030 - 77001 189

E-Mail: nikola.holtkamp@imd-labore.de

Mandy Koch, M.Sc.

Tel. 030 - 77001 138

E-Mail: mandy.koch@imd-labore.de

Dr. rer. medic. Johannes Grünhagen

Tel. 030 - 77001 143

E-Mail: johannes.gruenhagen@imd-labore.de

Dr. rer. nat. Christina Landwehr

Tel. 030 - 77001 142

E-Mail: christina.landwehr@imd-labore.de

Ansprechpartner Abteilung Immungenetik:

Dr. rer. nat. Sabine Schütt

Tel. 030-77001 134

E-Mail: sabine.schuett@imd-berlin.de

Dr. rer. nat. Katrin Huesker

Tel. 030-77001 190

E-Mail: katrin.huesker@imd-berlin.de

Das Institut für Medizinische Diagnostik Berlin – Potsdam MVZ GbR befindet sich im Südwesten von Berlin in Lankwitz (Stadtteil Steglitz).

Eingang: Der Patienten- und Besuchereingang befindet sich in der Siemensstraße 26a.

